

SEQUENCE LISTING

<110> EPIGENOMICS AG
BERLIN, KURT

<120> METHOD FOR ANALYSIS OF METHYLATED NUCLEIC ACIDS

<130> MHK-051-004

<140> US 10/510,698

<141> 2004-10-08

<150> PCT/IB03/01791

<151> 2003-04-09

<150> US 60/370,690

<151> 2002-04-09

<160> 15

<170> PatentIn version 3.2

<210> 1

<211> 22

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide primer

<400> 1

ttttcgtcgt tttaggttat cg

22

<210> 2

<211> 23

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide primer

<400> 2

tttttgttgt tttaggttat tgg

23

<210> 3

<211> 26

<212> DNA

<213> Artificial

<220>

<223> oligonucleotide probe

<400> 3

ttcggacgtc gttgttcggt cgatgt

26

<210> 4
<211> 23
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 4
tttttggtgt tttaggttat tgg

23

<210> 5
<211> 21
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 5
catatgctgt gaataaatta c

21

<210> 6
<211> 26
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide probe

<400> 6
tttggatggt gttgtttggt tgatgt

26

<210> 7
<211> 17
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 7
cggatacgat ttcgggg

17

<210> 8
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 8
atacgataaa cgcaacaacg ac

22

<210> 9
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide probe

<400> 9
atttgagatt tcgtgattcg cgttacgga

29

<210> 10
<211> 19
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 10
tggatatgat tttggggta

19

<210> 11
<211> 24
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 11
atatgataaa tgcaacaatg acat

24

<210> 12
<211> 29
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide probe

<400> 12
atttgagatt ttgtgatttg tgttatgga

29

<210> 13
<211> 25
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 13
tccatattcc aaaccctata ccaaa

25

<210> 14
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> oligonucleotide primer

<400> 14
tgggattgag ggtaagaggg at

22

<210> 15
<211> 22
<212> DNA
<213> Artificial

<220>
<223> hypothetical sequence

<400> 15
attagtttcg tttaagggttc ga

22